

シングルセル遺伝子発現解析 空間遺伝子発現解析 初回ご依頼キャンペーン

10月末サンプルご提出分まで

※ 受付状況により予告なく終了することがございます。
※ 各アプリケーションについて初めてご依頼のお客様向けのキャンペーン価格となります。

シングルセル遺伝子発現解析

ユニバーサル3'遺伝子発現

トランスクリプトーム全体をキャプチャーし
多様な生物種から広範な情報を収集する
GEM-X技術を用いたRTベースのアッセイ

1サンプルあたり

78.5万円

(税抜)

Flex遺伝子発現

GEM-Xテクノロジーを用いたプローブベースの
アッセイで18,000以上のコーディング遺伝子を
キャプチャー

※ ヒト・マウスのみ対応

4サンプル単位で

160万円

(税抜)

空間遺伝子発現解析

Visium HD

偏りのない全トランスクリプトームの
空間的遺伝子発現解析をシングルセルスケールで実現
1スライドに6.5 x 6.5 mmの2キャプチャーエリア

2キャプチャーエリアで

200万円

(税抜)

Xenium

位置情報を保持したままサブセラーの解像度で
細胞や組織中の数百から数千のRNAを解析
1スライドのサイズは10.45 x 22.45 mm
※ヒト・マウスのみ対応

2スライドで

380万円

(税抜)

※ Visium HD、Xeniumについては1エリア、1スライドで実施希望の場合には
別途ご相談ください

裏面に詳細な仕様の記載がございますのでご参考ください

各解析の特徴

	3' RNA-seq	Flex	Visium HD	Xenium
用途	包括的なシングルセルデータ 細胞の集団や状態の詳細な 特性評価に理想的		高解像度の空間遺伝子発現 複雑な組織や細胞近傍関係、細胞間の 相互作用を把握他の空間オミクス解析、 組織、形態に関する情報と統合	
解像度	シングルセル	シングルセル	2- μ m四方に割り当 てられた転写産物	シングルセル
解析遺伝子数	全トランスクリプ トーム	全トランスクリプ トーム	全トランスクリプ トーム	最大5,000
データの読み出し	NGSベース	NGSベース (プローブ)	NGSベース (プローブ)	イメージベース

各解析の仕様

	3' RNA-seq	Flex	Visium HD	Xenium
受入サンプル	シングルセル化 した凍結細胞 ※別途オプションあり	シングルセル化 した固定細胞 ※別途オプションあり	FFPEブロック	FFPEブロック
対応生物種	真核生物	ヒト・マウス	ヒト・マウス	ヒト・マウス
解析細胞数 解析範囲	10,000細胞目安	10,000細胞目安	6.5 x 6.5 mm	10.45 x 22.45 mm
納品物	生データ、Cell Ranger解析データ	生データ、Cell Ranger解析データ	生データ、Space Ranger解析データ	Xenium解析データ

オプションメニュー

高次データ解析【3' RNA-seq/Flex/Visium】
Cell Ranger、Space Ranger以降のデータ解析も
承っています

解析細胞数変更【3' RNA-seq/Flex】
最大20,000細胞まで解析細胞数を
増やすことが可能です

核抽出／出張実験【3' RNA-seq】
弊社で核抽出から実施することも可能です
また、生細胞でお預かりする出張解析も承っております

ご提出サンプル変更【Flex】
新鮮凍結細胞／組織、固定組織のご提出も可能です

「Visium HD 3' Gene Expression」
Visium HD 3'のサービスも開始しました。ヒト・マウス以外の生物種で実施希望の場合は是非お声がけください

当社営業担当や販売代理店様へお気軽にお問い合わせください

販売店

Rhelixa
Decoding Life, Creating Future

〒104-0042
東京都中央区入船3-7-2 KDX銀座イーストビル5F
TEL:03-6272-3115
MAIL:sales-support@rhelixa.com